

Table 1: Population-level summary statistics for the 16 localities in the CFM population dataset. Lower diagonal indicates pairwise population F_{ST} values. F_{ST} calculations with p-values < 0.05 after Benjamini-Hochberg correction are bolded. N = sample size; H_o = observed heterozygosity; H_e = expected heterozygosity. Locality abbreviations follow Fig. 1.

LOCALITY	PAIRWISE POPULATION F_{ST}															HETEROZYGOSITY		
	SGD	ABA	LMT	FBG	VMN	MJR	MLK	NBF	FGL	STN	PCP	PVL	TNH	SWR	DPN	N	H_o	H_e
SGD	--															6	0.24	0.17
ABA	0.25	--														7	0.22	0.17
LMT	0.13	0.15	--													6	0.21	0.21
FBG	0.13	0.14	0.01	--												8	0.22	0.23
VMN	0.16	0.18	0.05	0.04	--											8	0.23	0.22
MJR	0.13	0.17	0.01	0.02	0.03	--										6	0.23	0.20
MLK	0.22	0.24	0.05	0.04	0.06	0.03	--									4	0.16	0.15
NBF	0.27	0.28	0.05	0.08	0.10	0.08	0.10	--								4	0.14	0.21
FGL	0.21	0.23	0.09	0.09	0.09	0.08	0.12	0.16	--							8	0.20	0.20
STN	0.16	0.18	0.00	0.02	0.04	0.01	0.06	0.07	0.07	--						5	0.22	0.21
PCP	0.16	0.18	0.03	0.04	0.06	0.02	0.07	0.08	0.09	0.01	--					6	0.21	0.20
PVL	0.19	0.21	0.08	0.08	0.08	0.07	0.13	0.14	0.09	0.06	0.07	--				8	0.21	0.20
TNH	0.16	0.19	0.03	0.05	0.06	0.03	0.10	0.10	0.08	0.01	0.03	0.07	--			6	0.21	0.21
SWR	0.37	0.38	0.27	0.26	0.25	0.26	0.35	0.39	0.28	0.26	0.26	0.27	0.26	--		9	0.24	0.16
DPN	0.17	0.19	0.05	0.07	0.09	0.05	0.11	0.12	0.11	0.04	0.06	0.10	0.06	0.26	--	7	0.21	0.21
PLP	0.34	0.35	0.22	0.22	0.23	0.23	0.31	0.34	0.27	0.24	0.24	0.26	0.25	0.39	0.22	8	0.24	0.16